

Rosalind: DNA compression problems

Степачёв Максим

Задачи:

- Познакомиться с основными методами сжатия данных в биоинформатике.
- Написать задачи Rosalind.

Результаты:

В ходе работы были сделаны 4 задачи.

1. Move to front
2. Burrows-Wheeler
3. Huffman coding
4. Комбинированная задача

Huffman coding:

Коды или Алгоритм Хаффмана (Huffman codes) — широко распространенный и очень эффективный метод сжатия данных, который, в зависимости от характеристик этих данных, обычно позволяет сэкономить от 20% до 90% объема.

Таблица кодов для дерева:

A - 00

B - 01

C - 10

D - 110

E - 111



