

Приложение для клинической интерпретации онкоэкзома человека

*Студент:
Шевченко А.К.*

*Руководители:
Анна Горбунова
Алла Лapidус*



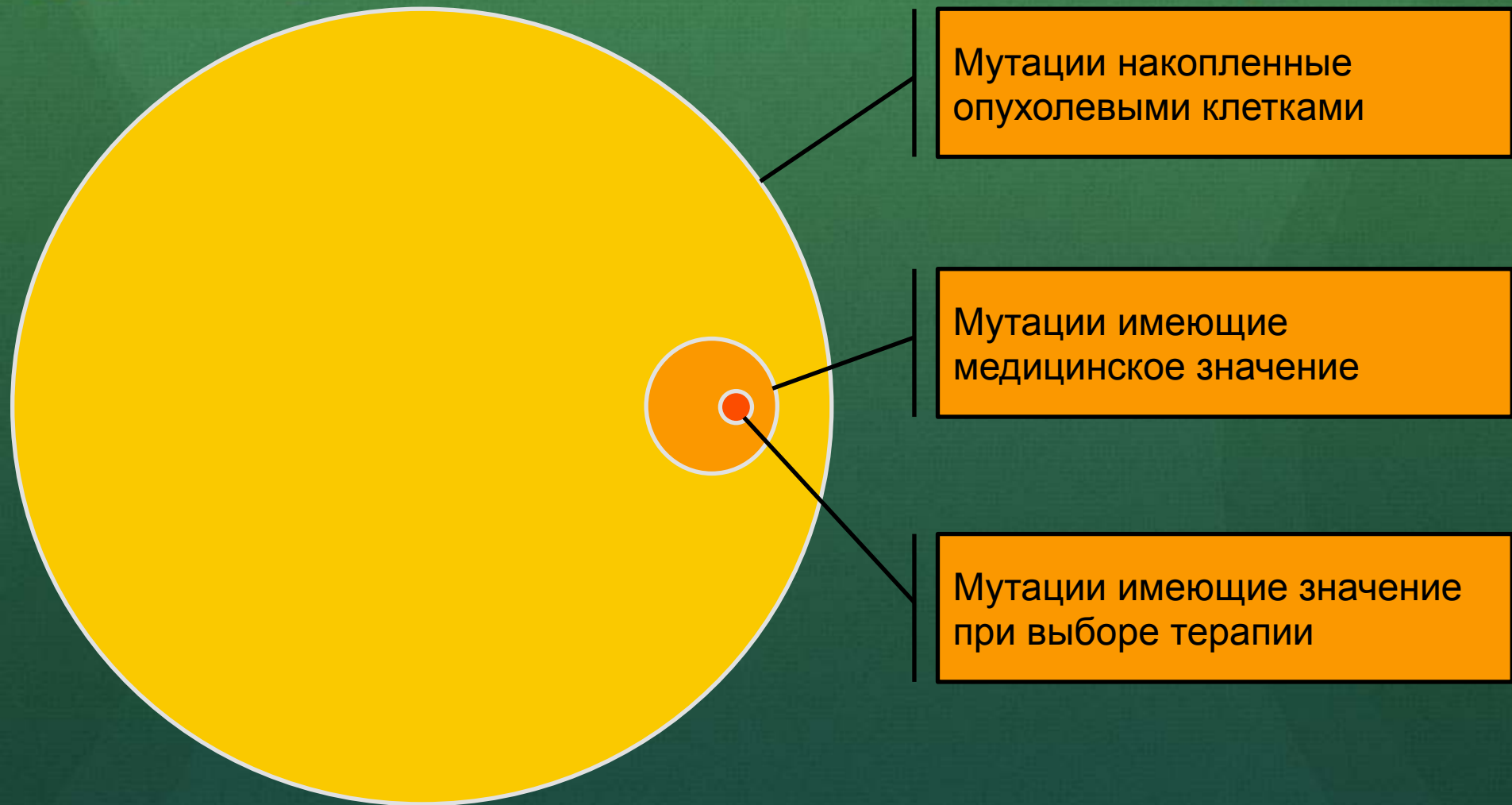
**Bioinformatics
Institute**

Санкт-Петербург
2014

Цель проекта

- Создать приложение для поиска клинически значимых мутаций в экзоме человека (пациента) и их интерпретации, помогающее врачу при выборе эффективной терапии.

Проблема



Структура приложения

Input



filters



interpreter



output

VCF пациента



Функционально
значимые
мутации
Клинически
значимые гены



Медицинская
интерпретация
данных



Отчет (PDF)
(визуализация,
рекомендации)