

24 ИЮЛЯ

КОНФЕРЕНЦИЯ

ПЯТНИЦА

11:30

ДАРЬЯ БАРАНОВА | КАЗАНСКИЙ ФЕДЕРАЛЬНЫЙ УНИВЕРСИТЕТ
Секвенирование генома штамма
Bacillus ginsengihumi M2.11, продуцирующего фитазу

11:45

НАТАЛЬЯ БАУЛИНА | РОССИЙСКИЙ НАЦИОНАЛЬНЫЙ ИССЛЕДОВАТЕЛЬСКИЙ
МЕДИЦИНСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ ИМ. Н.И. ПИРОГОВА
Characterization of C6orf97, a Novel Breast Cancer Susceptibility
Candidate Gene

12:00

ЕВГЕНИЯ БОНДАР | СИБИРСКИЙ ФЕДЕРАЛЬНЫЙ УНИВЕРСИТЕТ
Сборка и сравнительный анализ хлоропластных геномов
хвойных рода *Larix*

12:15

ДАРЬЯ ВАЛЬТЕР | НАЦИОНАЛЬНЫЙ ИССЛЕДОВАТЕЛЬСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ «ВЫСШАЯ ШКОЛА
ЭКОНОМИКИ»
Кластеризации данных генной экспрессии при раке
молочной железы

12:30

СЕРГЕЙ КАЗАКОВ | УНИВЕРСИТЕТ ИТМО
MetaFast: fast reference-free graph-based comparison
of shotgun metagenomic data

12:45

КОФЕ-БРЕЙК

13:00

ВИТАЛИНА КИРГИЗОВА | ИНСТИТУТ ОБЩЕЙ ГЕНЕТИКИ ИМ. Н.И. ВАВИЛОВА РАН,
ИНСТИТУТ ЦИТОЛОГИИ И ГЕНЕТИКИ СО РАН
Изучение генетических основ социального поведения
на основе анализа генов селекционированных линий лис

13:15

АННА НЕНАРОКОВА | МОСКОВСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ УНИВЕРСИТЕТ
ИМ. М.В. ЛОМОНОСОВА
Изучение полиморфизма генов устойчивости класса NBS-LRR
пшеницы с использованием NGS

13:30

МАРИЯ ПРОТАСОВА | ИНСТИТУТ ОБЩЕЙ ГЕНЕТИКИ ИМ. Н.И. ВАВИЛОВА РАН, ИНСТИТУТ
ЦИТОЛОГИИ И ГЕНЕТИКИ СО РАН
Метод анализа наследственных диспергированных
и центромерных повторов с использованием данных
полногеномного секвенирования и его применение на
примере данных полногеномного секвенирования образцов
ДНК семейных трио пациентов с шизофренией

13:45

АНАСТАСИЯ СПИЦИНА | НОВОСИБИРСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ УНИВЕРСИТЕТ
Компьютерный анализ и обработка экспрессионных данных

ЛЕТНЯЯ ШКОЛА
ПО БИОИНФОРМАТИКЕ
2015

ОРГАНИЗАТОРЫ



ИНСТИТУТ
БИОИНФОРМАТИКИ



САНКТ-ПЕТЕРБУРГСКИЙ
АКАДЕМИЧЕСКИЙ
УНИВЕРСИТЕТ РАН



МОСКОВСКИЙ
ГОСУДАРСТВЕННЫЙ
УНИВЕРСИТЕТ

ПАРТНЕРЫ

