

М И Н И • К О Н Ф Е Р Е Н Ц И Я

- 11:00** **ЛЕВ ЛЕВИЦКИЙ** | МОСКОВСКИЙ ФИЗИКО-ТЕХНИЧЕСКИЙ ИНСТИТУТ  
Открытые инструменты для работы с протеомными данными на языке программирования Python
- 
- 11:15** **ДАРЬЯ ЖЕРНАКОВА** | UNIVERSITY MEDICAL CENTER GRONINGEN  
Resolving variants of unknown significance through reanalysis of 4,978 public RNA-seq samples
- 
- 11:30** **АЛЕКСЕЙ СЕРГУШИЧЕВ** | УНИВЕРСИТЕТ ИТМО  
GAM: a computational pipeline for integrated transcriptional and metabolic network analysis
- 
- 11:45** **АЛЕКСЕЙ АЛЕХИН** | ERA7 BIOINFORMATICS  
Bio4j bioinformatics data platform
- 
- 12:00** **РУСЛАН ДЕВЯТИЯРОВ** | КАЗАНСКИЙ ФЕДЕРАЛЬНЫЙ УНИВЕРСИТЕТ  
Уникальное разнообразие изо-аспартил-метилтрансферазы в насекомом, способном к выживанию при полном обезвоживании: геномная организация и экспрессионный ответ на абиотические стрессы
- 
- 12:15** ПЕРЕРЫВ 15 МИНУТ
- 
- 12:30** **СЕРГЕЙ ГЛАДЫШЕВ** | МОСКОВСКИЙ ФИЗИКО-ТЕХНИЧЕСКИЙ ИНСТИТУТ  
Качественный метод анализа представленности штаммов бифидобактерий в микробиоте кишечника человека на основе генов систем токсинов-антитоксинов II типа
- 
- 12:45** **МИХАИЛ ШАПИРО** | БЕЛОРУССКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ УНИВЕРСИТЕТ  
Поиск молекулярных мишеней для разработки новых противовирусных препаратов в геноме вируса клещевого энцефалита
- 
- 13:00** **КИРИЛЛ ГРИГОРЬЕВ** | ИНСТИТУТ БИОИНФОРМАТИКИ  
| ЦЕНТР ГЕНОМНОЙ БИОИНФОРМАТИКИ СПбГУ  
Поиск корреляции между социально-экономическим статусом и профилем метилирования в геноме человека
- 
- 13:15** **СОФИЯ КОЛЧАНОВА** | ИНСТИТУТ БИОИНФОРМАТИКИ | СПбГУ  
Проект по аннотации генома кубинского попугая *Amazona leucoserphalia*